

AISLAMIENTO E IDENTIFICACIÓN DE HONGOS PATÓGENOS DE NARANJA *Citrus sinensis* L. OSBECK CULTIVADA EN BAJA CALIFORNIA SUR, MÉXICO ISOLATION AND IDENTIFICATION OF PATHOGENIC FUNGI FROM ORANGE *Citrus sinensis* L. OSBECK CULTURED IN BAJA CALIFORNIA SUR, MEXICO

J. L. Ochoa , L. G. Hernández-Montiel , H. Latisnere-Barragán , J. L. León de La Luz & C. P. Larralde-Corona

To cite this article: J. L. Ochoa , L. G. Hernández-Montiel , H. Latisnere-Barragán , J. L. León de La Luz & C. P. Larralde-Corona (2007) AISLAMIENTO E IDENTIFICACIÓN DE HONGOS PATÓGENOS DE NARANJA *Citrus sinensis* L. OSBECK CULTIVADA EN BAJA CALIFORNIA SUR, MÉXICO ISOLATION AND IDENTIFICATION OF PATHOGENIC FUNGI FROM ORANGE *Citrus sinensis* L. OSBECK CULTURED IN BAJA CALIFORNIA SUR, MEXICO, CYTA - Journal of Food, 5:5, 352-359, DOI: [10.1080/11358120709487712](https://doi.org/10.1080/11358120709487712)

To link to this article: <https://doi.org/10.1080/11358120709487712>



Copyright Taylor and Francis Group, LLC



Published online: 02 Oct 2009.



Submit your article to this journal



Article views: 7994



View related articles



Citing articles: 3

AISLAMIENTO E IDENTIFICACIÓN DE HONGOS PATÓGENOS DE NARANJA *Citrus sinensis* L. OSBECK CULTIVADA EN BAJA CALIFORNIA SUR, MÉXICO

ISOLATION AND IDENTIFICATION OF PATHOGENIC FUNGI FROM ORANGE *Citrus sinensis* L. OSBECK CULTURED IN BAJA CALIFORNIA SUR, MEXICO

Ochoa, J. L.^{1*}; Hernández-Montiel, L. G.¹; Latisnere-Barragán, H.¹; León de La Luz, J. L.¹; Larralde-Corona, C. P.²

¹Centro de Investigaciones Biológicas del Noroeste, Mar Bermejo 195, La Paz, CP 23090, Baja California Sur, México. ²Centro de Biotecnología Genómica-IPN, Boulevard del Maestro esq. Elías Piña, Reynosa, C.P. 88710, Tamaulipas, México.

Recibido/Received 16-07-2007; aceptado/accepted 03-10-2007

*Autor para la correspondencia/Corresponding author. E-mail: jlochoa@cibnor.mx

Abstract

Citric fruits constitute an important commodity in Mexico. However, because of significant post-harvest loses (up to 40%), the citrus industry in Mexico requires optimization. The presence of pathogenic fungi affecting root system, stem, leaves and fruits, represent a risk for ulterior development of post-harvest rotting. In this work, several varieties of orange (*Citrus sinensis* L. Osbeck), Valencia Temprana, Valencia Tardía y Washington Navel, grown in Comondú, Baja California Sur, México were analyzed, aiming to identify the corresponding pathogenic fungi present on the fruit surface. Several fungi belonging to *Aspergillus*, *Fusarium* and *Penicillium* genera were isolated. Sequence analysis of their ITS1-5.8S-ITS2 rDNA region showed that the fungi correspond to *A. flavus*, *F. oxysporum*, *P. digitatum*, *P. italicum*, and *P. variabile* species, which are known to cause diseases affecting fruit quality. This work identify suitable treatments for citrus production in Baja California Sur in order to extend their shelf-life and quality to compete in national and international markets successfully.

Resumen

Los cítricos son uno de los principales productos agrícolas de México. Sin embargo, debido a las pérdidas significativas en poscosecha (hasta un 40%) es importante optimizar su producción. La presencia de hongos fitopatógenos que atacan la raíz, tronco, hojas y frutos constituyen un factor de riesgo para el desarrollo de este cultivo. En este trabajo se analizaron las variedades de naranja (*Citrus sinensis* L. Osbeck) Valencia Temprana, Valencia Tardía y Washington Navel cultivada en la zona de Comondú, Baja California Sur, México, para identificar los hongos fitopatógenos que pudieran afectar la calidad de los frutos durante su almacenamiento. Se aislaron e identificaron morfológicamente varios hongos pertenecientes a los géneros *Aspergillus*, *Fusarium* y *Penicillium*. El análisis de la secuencia de la región ITS1-5.8S-ITS2 del rDNA demostró que las especies aisladas fueron *A. flavus*, *F. oxysporum*, *P. digitatum*, *P. italicum* y *P. variabile*, los cuales son agentes causales de pudriciones y enfermedades en los frutos, afectando su calidad. Este trabajo posibilita la adopción de medidas de tratamiento y biocontrol de las enfermedades de la naranja cultivada en Baja California Sur con el objeto de extender su vida de anaquel y competir exitosamente en los mercados nacional e internacional.

Keywords: Citric fruits, orange, *Citrus sinensis*, phyto-pathogenic fungi, *Aspergillus flavus*, *Fusarium oxysporum*, *Penicillium digitatum*, *Penicillium italicum*, *Penicillium variabile*

Palabras clave: Cítricos, naranja, hongos fitopatógenos, *Citrus sinensis*, *Aspergillus flavus*, *Fusarium oxysporum*, *Penicillium digitatum*, *Penicillium italicum*, *Penicillium variabile*

INTRODUCCIÓN

La producción de naranja en México se basa exclusivamente en las variedades Valencia y Washington navel en casi todas las regiones productoras. Algunas de estas ofrecen ventajas debido a su posibilidad de exportación, a la época de cosecha y/o porque existe una demanda en el mercado. Es conveniente tomar en cuenta las características de las variedades, las condiciones de clima, suelo, preferencia de mercados, etc. para lograr los

mejores beneficios en la selección de variedades. México ha firmado tratados comerciales con Chile (1992), el TLC con Norteamérica (1994), Costa Rica (1995), Bolivia (1995), Nicaragua (1998), Israel (2000) y la Unión Europea (2000), los cuales han fijado la pauta para incrementar las exportaciones de productos agrícolas mexicanos.

La naranja es una fruta subtropical (<http://www.infoagro.com/citricos/naranja.htm>) por lo que las condiciones climáticas prevalecientes en Baja California

Sur (BCS) pueden representar cierta ventaja en su cultivo. Por ejemplo, el factor limitante más importante para el cultivo de la naranja es la temperatura mínima, ya que no tolera las inferiores a -3 °C, condición que puede cumplirse con el clima árido y semi-árido que impera en BCS (<http://www.mexconnect.com/MEX/austin/baja.html>). La naranja necesita temperaturas cálidas durante el verano para la correcta maduración de los frutos y aunque requiere de precipitaciones de alrededor de 1,200 mm anuales, cuando no son cubiertas se recurre al riego. Siendo la naranja una especie que necesita luz para los procesos de floración y fructificación, BCS puede ser el lugar idóneo para su cultivo, ya que recibe una de las más altas tasas de radiación solar en el mundo. Finalmente, la naranja necesita de suelos permeables y poco calizos para una buena producción, lo cual es una característica común en los suelos de BCS, que siendo fundamentalmente arenosos presentan una proporción equilibrada de elementos gruesos y finos (textura) para garantizar una buena aireación y facilitar el paso de agua. La mayor desventaja para el cultivo de naranja en BCS lo constituye la salinidad del suelo o agua de riego que afecta al crecimiento de las plantas, por lo que en este caso deben seleccionarse variedades halotolerantes.

Las enfermedades de los cítricos ocasionadas por hongos provocan pérdidas económicas en todo el mundo, y en algunos casos alcanzan hasta el 50 % de la producción total de los frutos. La aplicación de fungicidas reducen las pérdidas significativamente, pero éstas aún se ubican entre un 5-10% de la producción total (Ismail y Zhang, 2004; Margosan *et al.*, 1997). Dentro de los principales hongos causantes de pudriciones en el caso de naranja destacan: *Penicillium digitatum*, *P. italicum*, *Geotrichum candidum*, *Colletotrichum acutatum* y *Rhizopus stolonifer*, entre otros (Altieri *et al.*, 2005; Benyahia *et al.*, 2003; Qing y Shiping, 2000; Pavoncello *et al.*, 2001; Wuryatmo *et al.*, 2003). La infección por hongos puede ocurrir durante el cultivo, en el momento de la colecta, durante el procesamiento o empacado, almacenamiento, transporte y mercado, e incluso después de ser adquirido por el consumidor (Amiri y Bompeix, 2005; Dennis, 1983; Sanderson y Spotts, 1995). Los síntomas de deterioro se manifiestan cuando el hongo fitopatógeno comienza a desarrollarse activamente en el fruto. En muchos casos de infección se aprecia un cambio de coloración y la destrucción del tejido con la aparición de lesiones (Droby *et al.*, 2002). De manera tradicional, su control se basa principalmente en el uso de fungicidas sintéticos (Capdeville *et al.*, 2002), sin embargo la demanda por parte de los consumidores de productos libres de residuos químicos (Castoria *et al.*, 2003; Fan *et al.*, 2000) y la aparición de hongos resistentes a estos compuestos (Zheng *et al.*, 2004) ha dificultado el control de estos patógenos.

En México, la experiencia sobre el control de infecciones, conservación y almacenamiento de cítricos,

lamentablemente, no está bien documentada (Orozco-Santos, 1991). Se estiman pérdidas en la citricultura nacional del 40% de la producción en poscosecha solamente, por lo que el impacto de las enfermedades fúngicas en los cítricos es relevante. No obstante, no existe información disponible sobre la naturaleza e impacto de las poblaciones de microorganismos patógenos poscosecha de los cítricos cultivados en BCS. La experiencia en el estudio sobre las enfermedades de frutos poscosecha a nivel mundial sugiere que la problemática de cada región es distinta, tanto por cuestiones de manejo, como condiciones de suelo, clima y variedad de fruto. No es posible por lo tanto generalizar sobre la incidencia de las enfermedades ni sobre su control o tratamiento, por lo cual es necesario caracterizar cada caso. Para ello, la identificación precisa de los hongos fitopatógenos que se presentan en un huerto o bodega determinado posibilita tanto la generación de información del rol ecológico de una especie determinada como las posibles consecuencias que potencialmente se pueden presentar y la manera de combatirlos. Una forma rápida y eficaz para identificar los hongos es analizar la secuencia de regiones del DNA específicas (Seifert *et al.*, 2007), tales como la que codifica para la citocromo oxidasa 1 (*COI*), la de la β-tubulina (*BetaA*), la del factor de elongación 1-α (EF-1α) o la subunidad ribosomal 5.8S flanqueada por sus espaciadores (ITS1-5.8S-ITS2). Esta información, junto con las características morfológicas y bioquímicas específicas, constituye la base de la identificación y clasificación taxonómica de los microorganismos. En este trabajo se dan a conocer los principales hongos fitopatógenos aislados de naranja cultivada en BCS. Los resultados aquí presentados constituyen una advertencia que pudiera ser tomada en cuenta por los citricultores locales si planean alcanzar los mercados internacionales y realizar el control racional y específico de las enfermedades fúngicas de cítricos cultivados en México.

MATERIALES Y MÉTODOS

Sitios de colecta

En Diciembre del 2003 se realizó la colecta del material vegetal en las inmediaciones de las huertas localizadas en el Lote 4 (Col. Mexicali), Lote 51 (Col. Cuitláhuac) y Lote 318 (Col. Emiliano Zapata), todas pertenecientes al municipio de Comondú, BCS. En las tres huertas, las variedades de naranja cultivada correspondieron a 'Valencia Temprana', 'Valencia Tardía' y 'Washington Navel'. Las tres variedades se plantaron juntas, sin barreras físicas o separación entre los árboles que eviten la transmisión de enfermedades de una variedad a otra. Se colectaron de cada variedad 6 frutos sin lesión aparente del flavedo de 5 árboles seleccionados al azar de cada lote, depositándolos en bolsas de plástico estériles para ser transportados inmediatamente al laboratorio en cajas de espuma de poliuretano.

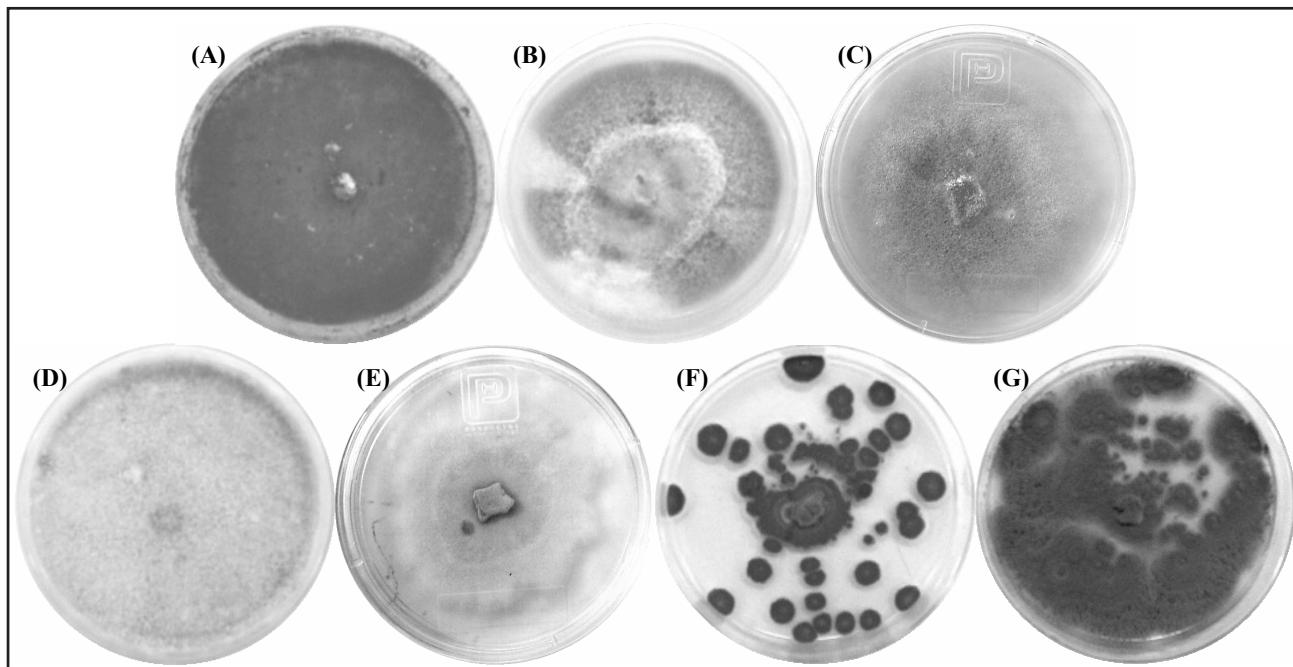


Figura 1. Identificación de hongos aislados de distintas variedades de naranja cultivada en Baja California Sur, México. (A) *Penicillium* spp. Cepa PvWN002, (B) *Fusarium* spp. Cepa FoWN001, (C) *Fusarium* spp. Cepa FoWN003, (D) *Aspergillus* spp. cepa AfVT001, (E) *Fusarium* spp. cepa FoVTA001, (F) *Penicillium* spp. cepa PiWN004 y (G) *Penicillium* spp. cepa PdVTA002.

Figure 1. Identification of fungi isolated from different varieties of orange cultivated in Baja California Sur, Mexico. (A) *Penicillium* spp. strain PvWN002, (B) *Fusarium* spp. strain FoWN001, (C) *Fusarium* spp. strain FoWN003, (D) *Aspergillus* spp. strain AfVT001, (E) *Fusarium* spp. strain FoVTA001, (F) *Penicillium* spp. strain PiWN004 y (G) *Penicillium* spp. strain PdVTA002.

Aislamiento de hongos

Los hongos de los frutos se aislaron mediante un raspado superficial y sembrando la muestra en placas con medio agar Papa-Dextrosa (PDA, Difco®) adicionado con 100 mg/L de cloranfenicol (SIGMA®) y 50 mg/L de ampicilina (SIGMA®) para inhibir el crecimiento de bacterias (Benbow y Sugar, 1999). Las placas fueron depositadas en una incubadora (VWR®) durante 7 días a 30 °C en completa oscuridad. Las colonias diferenciales se trasladaron a nuevas placas con medio PDA hasta lograr su purificación. Posteriormente, se realizó la caracterización morfológica macro y microscópica de cada uno de los hongos aislados, tomando como base las claves propuestas por Barnett y Hunter (1998), Carrillo (2003), Nelson *et al.* (1983), Pitt (1988) y Romero (1988).

Crecimiento del hongo y extracción de ADN

Los hongos fueron cultivados en caldo de papa dextrosa a 30 °C durante 7 días. La masa micelial fue cosechada por filtración y el DNA fue extraído usando el método de Raeder y Broda (1985).

Identificación molecular

La región ITS1-5.8s-ITS2 del rDNA, fue obtenida mediante los iniciadores ITS1 (5' TCCGTAGGTGAACCCTGCGG 3') e ITS4 (5' TCCTCCGCTTATTGATATGC 3') (White *et al.*, 1990),

sintetizados por Sigma-Genosys (EUA). Las amplificaciones por PCR fueron realizadas en un termociclador (System 9700 GeneAmp®) con un periodo de desnaturación de 2 min a 95 °C, seguido de 30 ciclos (los cuales comprendían una desnaturación a 95 °C durante 1 min, alineación por 30 s a 50 °C y una extensión de 2 min a 72 °C), con una extensión final de 10 min a 72 °C. Los productos de la amplificación fueron separados por electroforesis en gel de agarosa al 1 % (SIGMA®), se tiñeron con bromuro de etidio (0,2 µg/ml), se visualizaron en un transiluminador (BioDoc-IT imagen system, UVP®) y fueron secuenciados por la compañía MACROGEN (Seúl, Korea). La identificación molecular se realizó comparando la secuencia obtenida contra todas las secuencias nucleotídicas de hongos reportadas en la base de datos del NCBI (National Center for Biotechnology Information; <http://www.ncbi.nlm.nih.gov>).

RESULTADOS Y DISCUSIÓN

El fenotipo macroscópico de los hongos aislados de las naranjas cultivadas en BCS se muestra en la Figura 1, en donde se aprecian las características coloniales principales que constituyen el primer paso de identificación a nivel de género. Respecto a la amplificación de la región ITS del rDNA, se observa una diversidad en tamaños de

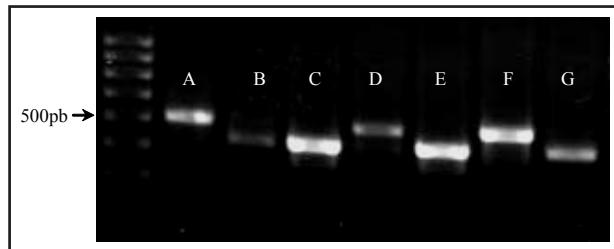


Figura 2. Amplificación de la región ITS1-5.8S-ITS2 del rDNA de los hongos aislados de naranja cultivada en Baja California Sur, México. A) *Penicillium* spp., B) *Fusarium* spp., C) *Fusarium* spp., D) *Aspergillus* spp., E) *F. oxysporum*, F) *Penicillium* spp. y G) *Penicillium* spp.

Figure 2. Amplification of ITS1-5.8S-ITS2 rDNA region from fungi isolated from orange cultured in Baja California Sur, Mexico. A) *Penicillium* spp., B) *Fusarium* spp., C) *Fusarium* spp., D) *Aspergillus* spp., E) *F. oxysporum*, F) *Penicillium* spp. y G) *Penicillium* spp.

fragmentos de los hongos aislados (Figura, 2). Estas diferencias en tamaño existen debido a un alto grado de polimorfismo entre especies y entre cepas de la misma especie (Duggal *et al.*, 1997). Esta variación en composición nucleotídica y longitud pudiera deberse a la característica de alta repetición y baja tasa de evolución de esta unidad del rDNA, a la presencia de más de un núcleo con diferentes secuencias de rDNA dentro del mismo organismo aislado, al intercambio de núcleos por la fusión de hifas con otros individuos, o bien a cambios genéticos y de presión selectiva (Tavares-Ramos *et al.*, 2004). El análisis comparativo de las secuencias (Tabla 1 y 2) con la base de datos del NCBI, permitió la identificación de las especies *Aspergillus flavus*, *Penicillium variabile*, *P. italicum*, *P. digitatum* y tres cepas de *Fusarium oxysporum*. La presencia de estos microorganismos en los frutos puede estar regulada por el manejo agronómico de cada una de las huertas; por ejemplo, *Penicillium* spp., fue aislado en las huertas Lote 4 y 51 y estuvo ausente en la huerta del Lote 318 en las tres variedades de naranja analizadas. Ello puede deberse a la aplicación de tratamientos precolecha, los cuales juegan un papel preponderante en la reducción de este patógeno (Droby *et al.*, 1997). Estos resultados

sugieren que los hongos prevalecientes en las huertas de naranja constituyen una amenaza a la calidad de los frutos por lo que se deben implementar tratamientos de control adecuados, ya que algunas especies de los géneros *Aspergillus*, *Fusarium* y *Penicillium* producen toxinas en frutos y vegetales almacenados que pueden representar un riesgo para los consumidores (Lugauskas y Stakéniené, 2002).

Entre los aislamientos obtenidos, *P. italicum* y *P. digitatum*, comúnmente conocidos como moho azul y moho verde, respectivamente (Yildiz *et al.*, 2005), ya han sido reportados como patógenos poscolecha de los cítricos (McGuire, 2000; Wild, 1994) y son responsables de pérdidas económicas en todo el mundo (Skouboe *et al.*, 1999). La infección comienza con la penetración de las esporas en las heridas de los frutos en el árbol, durante la cosecha o el transporte (Spotts *et al.*, 1998). Los síntomas aparecen como cambios en la coloración del fruto (Snowdon, 1990), debido al desarrollo del micelio sobre la superficie, seguida por la aparición de una masa de esporas de color azul (*P. italicum*) o verde-olivo (*P. digitatum*), según sea el caso, como manifestación clara de una infección. La pudrición de los frutos por esta causa puede llegar al 40 % de la producción total, por lo que la detección oportuna reviste de importancia (OEPP/EPPO, 2004). Las condiciones climáticas y de cultivo (variedad en cultivares, aplicación de fertilizantes, tipo de suelo, entre otros) pueden determinar la susceptibilidad de los frutos a las enfermedades, maduración, manejo y almacenamiento (Plaza *et al.*, 2003; Smilanick *et al.*, 2003).

Por otro lado, *Penicillium variabile* es un hongo de lento crecimiento que produce una colonia amarillenta y naranja, verdosa y color oscuro en el reverso cuando se crece a 25 °C. Ha sido aislado principalmente de suelos desérticos, dunas, agua de mar, manglares y jugo de frutas (<http://www.pureaircontrols.com/glossary.html>). En el caso particular de *Aspergillus flavus*, aunque no es un patógeno frecuente en frutos cítricos, ha sido aislado de limón en diferentes plantaciones de Argentina (Maldonado *et al.*, 2005) y de naranjas en descomposición (Varma y Verma, 1987). En las estaciones cálidas y húmedas, *A. flavus* puede causar pudriciones importantes en limón agrio (*Citrus*

Tabla 1. Identificación de los diferentes hongos aislados de naranja cultivada en Baja California Sur, México.

Table 1. Identification of fungi isolated from oranges cultivated in Baja California Sur, México.

Cepa	Origen	Variedad de naranja	Identificación Molecular (NCBI)	Identidad
FoWN001	Lote 318 E. Zapata	Washington Navel	<i>Fusarium oxysporum f. sp. lili</i> (DQ452453.1)	99 %
PvWN002	Lote 51 Cuitláhuac	Washington Navel	<i>Penicillium variabile</i> (AY373936.1)	99 %
FoWN003		Washington Navel	<i>Fusarium oxysporum f. sp. lili</i> (DQ452453.1)	99 %
AfVT001		Valencia Temprana	<i>Aspergillus flavus</i> (DQ467982.)	100 %
FoVTA001	Lote 4 Mexicali	Valencia Tardía	<i>Fusarium oxysporum</i> (DQ123598.1)	97 %
PiWN004		Washington Navel	<i>Penicillium italicum</i> (AY373920.1)	99 %
PdVTA002		Valencia Tardía	<i>Penicillium digitatum</i> (DQ426516)	100 %

Tabla 2. Homología de la secuencia de los hongos aislados de naranja cultivada en Baja California Sur de acuerdo al N.C.B.I. (National Center of Biotechnology Information).**Table 2.** Sequence homology of fungi isolated from oranges cultivated in Baja California Sur, Mexico, according to N.C.B.I. (National Center of Biotechnology Information).

Cepa FoWN001 y FoWN003 (*Fusarium spp.*). DQ452453.1. *Fusarium oxysporum* f. sp. *lili* cepa ATCC 15642. Gen del RNA ribosomal 18S, secuencia parcial; espaciador transcripcional interno 1, gen del RNA ribosomal 5.8S, y espaciador transcripcional interno 2, secuencias completas; y gen del RNA ribosomal 28S, secuencia parcial. Identidad = 451/452 (99%), Gaps = 1/452 (0%).

Query 1 ACTTACCAAAACCCCTGTGAACATACCAACTTGTGCGCTCGGCCGATCAGCCCGTCGGCGTA 60
Sbjct 42 ACTTACCAAAACCCCTGTGAACATACCAACTTGTGCGCTCGGCCGATCAGCCCGTCGGCGTA 101

Query 61 AACCGGGACGCCGCCAGAGGACCCCT-AACTCTGTTCTATATGAACTTCTGAGTAA 119
Sbjct 102 AACCGGGACGCCGCCAGAGGACCCCTAACACTCTGTTCTATATGAACTTCTGAGTAA 161

Query 120 AACCATATAAATCAAACAAACTTCACAACAGGATCTCTCTGGCTCGCATCGATGAAGAA 179
Sbjct 162 AACCATATAAATCAAACAAACTTCACAACAGGATCTCTCTGGCTCGCATCGATGAAGAA 221

Query 180 CGCACAAAATCGCAAGTAAGTGTGAATTGCGAAGATTCTAGTGAATCATCGAACTTTGA 239
Sbjct 222 CGCACAAAATCGCAAGTAAGTGTGAATTGCGAAGATTCTAGTGAATCATCGAACTTTGA 281

Query 240 ACGCACATTTGCGCTCGCAGTATTCTGGCGGCGATGCCGATCTGCGAGCGTCATTTAACCC 299
Sbjct 282 ACGCACATTTGCGCTCGCAGTATTCTGGCGGCGATGCCGATCTGCGAGCGTCATTTAACCC 341

Query 300 TCAAGCACAGCTGGTGTGGGACTCGCGTTAATTGCGTTCCCCAAATTGATTGGCGGT 359
Sbjct 342 TCAAGCACAGCTGGTGTGGGACTCGCGTTAATTGCGTTCCCCAAATTGATTGGCGGT 401

Query 360 CACGTGCAAGCTTCCATAGCGTAGTACTAAACCCCTGTTACTGTTAATCTGCGGCCAC 419
Sbjct 402 CACGTGCAAGCTTCCATAGCGTAGTACTAAACCCCTGTTACTGTTAATCTGCGGCCAC 461

Query 420 GCGCTTAAACCCCAACTTGTGAATGTTGACCC 451
Sbjct 462 GCGCTTAAACCCCAACTTGTGAATGTTGACCC 493

Cepa FoVTa001 (*Fusarium spp.*). DQ123598.1. *Fusarium oxysporum* cepa CBMAI 53. Espaciador transcripcional interno 1, secuencia parcial; gen del RNA ribosomal 5.8S, secuencia completa; y espaciador transcripcional interno 2, secuencia parcial. Identidad = 275/282 (97%), Gaps = 4/282 (1%).

Query 1 GTTGCCCTCGGGGATCAGCCGCTCCGGTAAACCGGGACGGCCCGCAGAGGACCCCT 60
Sbjct 4 GTTGCCCTCGGGGATCAGCCGCTCCGGTAAACCGGGACGGCCCGCAGAGGACCCCT 63

Query 61 AAACCTCTTTCTATATGAACTTCTGAGTAAACCCATAAAATCAAACACTTTCAACA 120
Sbjct 64 AAACCTCTTTCTATATGAACTTCTGAGTAAACCCATAAAATCAAACACTTTCAACA 123

Query 121 ACGGATCTCTGGCTCGCATCGATGAAGAACGAGCAGAAAATGGGATAAGTATGIGAA 180
Sbjct 124 ACGGATCTCTGGCTCGCATCGATGAAGAACGAGCAGAAAATGGGATAAGTATGIGAA 183

Query 181 TTGCGAATTTCAGTGAATCATCGAATCTTGAACGCACTATGTGCGCGTCAGTATTCT 240
Sbjct 184 TTGCGAATTTCAGTGAATCATCGAATCTTGAACGCA-CATTGCGCCG-CCAGTATTCT 241

Query 241 GCGGGTATGCTTGTGGCTCATTTAACCTCAAGC 282
Sbjct 242 GCGGGCATGCCT-GTTCG-AGCGTCATTCACCCCAAGC 281

Cepa AfVT001 (*Aspergillus spp.*). DQ467982. *Aspergillus flavus* cepa UR24. Gen del RNA ribosomal 18S, secuencia parcial; espaciador transcripcional interno 1, gen del RNA ribosomal 5.8S, y espaciador transcripcional interno 2, secuencias completas; y gen del RNA ribosomal 28S, secuencia parcial. Identidad = 550/550 (100%). Gaps = 0/550 (0%).

Query 3 TCCGTAGGTGAACTCCGGAAAGGATCATTACCGAGTGTAGGGTCTTAGCGAGCCCAACC 63
Sbjct 5 TCCGTAGGTGAACTCCGGAAAGGATCATTACCGAGTGTAGGGTCTTAGCGAGCCCAACC 65

Query 64 TCCACCCCTGTCTACTGTACCTTGTGCTTGGGGGCCCGCATTCATGCCGCCGG 123
Sbjct 66 TCCACCCCTGTCTACTGTACCTTGTGCTTGGGGGCCCGCATTCATGCCGCCGG 125

Query 124 GGGCTCTCGAGCCGGGCCCCGGCGCGAGACACCAAGCAACTCTGCTGATCTAGTG 183
Sbjct 126 GGGCTCTCGAGCCGGGCCCCGGCGCGAGACACCAAGCAACTCTGCTGATCTAGTG 185

Query 184 AAGTCTGAGTTGATGATCGCAATCAGTTAACCTTCAACATGGATCTTGGTITCC 243
Sbjct 186 AAGTCTGAGTTGATGATCGCAATCAGTTAACCTTCAACATGGATCTTGGTITCC 245

Query 244 GGCATCGATGAAGAACCGCAGCAGAACATCGAATACTGTTGAAATTCCGTGAA 303
Sbjct 246 GGCATCGATGAAGAACCGCAGCAGAACATCGAATACTGTTGAAATTCCGTGAA 305

Query 304 TCATCGAGTCTTGAACGCACATTGGGCCCCCTGGTATCCGGGGGCATGCCGTGCCGA 363
Sbjct 306 TCATCGAGTCTTGAACGCACATTGGGCCCCCTGGTATCCGGGGGCATGCCGTGCCGA 365

Query 364 GCGTCATTGCTGCCCATCAAGCACGGCTTGTGTTGGGTGTCGTCCTCCGGGG 423
Sbjct 366 GCGTCATTGCTGCCCATCAAGCACGGCTTGTGTTGGGTGTCGTCCTCCGGGG 425

Query 424 GGACGGGCCCAAAAGCAGCGCGGCCAGCGCTGAGCGTATGGGGCTTGT 483
Sbjct 426 GGACGGGCCCAAAAGCAGCGCGGCCAGCGCTGAGCGTATGGGGCTTGT 485

Query 484 CACCCGCTCTGTAGGGCCGGCGCGCTGGCAAGCAGAACATCAATCTTCCAGGTG 543
Sbjct 486 CACCCGCTCTGTAGGGCCGGCGCGCTGGCAAGCAGAACATCAATCTTCCAGGTG 545

Query 544 ACCTTGGATC 553
Sbjct 546 ACCTTGGATC 555

Cepa PvWN002 (*Penicillium spp.*). AY373936.1. *Penicillium variabile* cepa FRR 1290. Gen del RNA ribosomal 18S, secuencia parcial; espaciador transcripcional interno 1, gen del RNA ribosomal 5.8S, y espaciador transcripcional interno 2, secuencias completas; y gen del RNA ribosomal 28S, secuencia parcial. Identidad = 341/343 (99%), Gaps = 1/343 (0%).

Query 6 TTAAATCATTTAACTTCTCAAACAGATCTCTGGTCCCGCATCGATGAAGAACGC 65
Sbjct 200 TTAAATCATTTAACTTCTCAAACAGATCTCTGGTCCCGCATCGATGAAGAACGC 258

Query 66 AGCGAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCGAAGATTCCTGGTGAATCATCGAATCTTGAAC 125
Sbjct 259 AGCGAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCGAAGATTCCTGGTGAATCATCGAATCTTGAAC 318

Query 126 CACATTGCGCCCTGGCATTCCGGGGGCGATGCCGAGCGTCATTTCTGCCCTCC 185
Sbjct 319 CACATTGCGCCCTGGCATTCCGGGGGCGATGCCGAGCGTCATTTCTGCCCTCC 378

Query 186 AGCACCGGTGGGTGTGGGGCTGTCCCCTGGGGGACACCCCCAAAGGAGTGGCGGG 245
Sbjct 379 AGCACCGGTGGGTGTGGGTGTGTCCCCTGGGGGACACCCCCAAAGGAGTGGCGGG 438

Query 246 CCCCGTCGGCTCTCGCAGCTATGGGCCCTCTGTCACCCGTCGGGGAGGACTCGTCGGC 305
Sbjct 439 CCCCGTCGGCTCTCGCAGCTATGGGCCCTCTGTCACCCGTCGGGGAGGACTCGTCGGC 498

Query 306 GCTGGTCTTCCCTTAAGCCGCCCTTCGGGGTGCCTCTCC 348
Sbjct 499 GCTGGTCTTCCCTTAAGCCGCCCTTCGGGGTGCCTCTCC 541

Cepa PiWN004 (*Penicillium spp.*). AY373920.1. *Penicillium italicum* cepa ATCC 48114. Gen del RNA ribosomal 18S, secuencia parcial; espaciador transcripcional interno 1, gen del RNA ribosomal 5.8S, y espaciador transcripcional interno 2, secuencias completas; y gen del RNA ribosomal 28S, secuencia parcial. Identidad = 436/438 (99%), Gaps = 0/438 (0%).

Query 25 ACCTCCACCCGTGTTTATTAACCGTTGCTTCGGCGGCCGCTTAACGGCCCG 84
Sbjct 55 ACCTCCACCCGTGTTTATTAACCGTTGCTTCGGCGGCCGCTTAACGGCCCG 114

Query 85 GGGGGCTCAGCCCCCGGGCCGGCCGGCGAGAACACCCCGAACCTGCTGAAGAT 144
Sbjct 115 GGGGGCTCAGCCCCCGGGCCGGCCGGCGAGAACACCCCGAACCTGCTGAAGAT 174

Query 145 TGTCGCTGAGTAAAAATAATAATTAACTTAAACAAACAGGATCTTGGTTCGG 204
Sbjct 175 TGTCGCTGAGTAAAAATAATAATTAACTTAAACAAACAGGATCTTGGTTCGG 234

Query 205 GCATGATGAAGAACGAGCAGAAAATGGTACGTAATGTGAATTGAAATTCAGTGAAC 264
Sbjct 235 GCATGATGAAGAACGAGCAGAAAATGGTACGTAATGTGAATTGAAATTCAGTGAAC 294

Query 265 ATCGAGTCTTGAACGCACATTGCGCCCTGGTATTCGGGGGGCATGCCGTGCCAG 324
Sbjct 295 ATCGAGTCTTGAACGCACATTGCGCCCTGGTATTCGGGGGGCATGCCGTGCCAG 354

Query 325 ATCATGCTGCCCTCAAGCCCGCTTGTGTTGGGCCCTCCGATTCGGGGGAC 384
Sbjct 355 GTCATTGCTGCCCTCAAGCCCGCTTGTGTTGGGCCCTCCGATTCGGGGGAC 414

Query 385 GGGCCGAAAGGCAAGCCAGGGCGCACCGGCTCGGCTCTGAGGGTATGGGTTTCTCAC 444
Sbjct 415 GGGCCGAAAGGCAAGCCAGGGCGCACCGGCTCGGCTCGAGCGTATGGGTTTCTCAC 474

Query 445 CGCTCTGTAGGGCCGGCC 462
Sbjct 475 CGCTCTGTAGGGCCGGCC 492

Cepa PdVTa002 (*Penicillium spp.*). DQ426516. *Penicillium digitatum* isolate YNLF-23. Gen del RNA ribosomal 18S, secuencia parcial; espaciador transcripcional interno 1, gen del RNA ribosomal 5.8S y espaciador transcripcional interno 2, secuencias completas; y gen del RNA ribosomal 28S, secuencia parcial. Identidad = 520/520 (100%), Gaps = 0/520 (0%).

Query 1 TCCGTAGGTGAACTTGGGAAAGGATCATTACCGAGTGTAGGGTCTTAGCGAGCCCAACC 60
Sbjct 5 TCCGTAGGTGAACTTGGGAAAGGATCATTACCGAGTGTAGGGTCTTAGCGAGCCCAACC 65

Query 61 CACCCGTGTTTATTTACCTTGTGCTTCGGCGGGCCGCTTACTGGCCGGGGGGGG 120
Sbjct 66 CACCCGTGTTTATTTACCTTGTGCTTCGGCGGGCCGCTTACTGGCCGGGGGGGG 125

Query 121 CTCACTGCTCCGGCCGGCGCCGGCGAGAACACCCCGAACCTGCTGAAATTCAGTCAG 180
Sbjct 126 CTCACTGCTCCGGCCGGCGCCGGCGAGAACACCCCGAACCTGCTGAAATTCAGTCAG 185

Query 181 TCTGAGTGAACCGAAATTATTTAAACCTTCAACACGGATCTTGTGAAATTCCGTGAA 240
Sbjct 186 TCTGAGTGAACCGAAATTATTTAAACCTTCAACACGGATCTTGTGAAATTCCGTGAA 245

Query 241 ATGAAGACCGAGCAAGATGCATACGTTAATGTGAATTGCAAGATTCAGTGAATCATCGAG 300
Sbjct 246 ATGAAGACCGAGCAAGATGCATACGTTAATGTGAATTGCAAGATTCAGTGAATCATCGAG 305

Query 301 TCTTGTGACCGACATTCGGCCCTCTGGTATTCGGGGGCGATGCCGTGCCAGCTT 360
Sbjct 306 TCTTGTGACCGACATTCGGCCCTCTGGTATTCGGGGGCGATGCCGTGCCAGCTT 365

Query 361 GCTGCCCTCAAGCCGGCTTGTGTTGGGCCCTGGCCGGGGGATGCCGTGCCAGCTT 420
Sbjct 366 GCTGCCCTCAAGCCGGCTTGTGTTGGGCCCTGGCCGGGGGATGCCGTGCCAGCTT 425

Query 421 GAAAGGAGCGGGCGCACCGGCTCCGGCTCTGGTATGGGGCTTGTGACCCGGCTCC 480
Sbjct 426 GAAAGGAGCGGGCGCACCGGCTCCGGCTCTGGTATGGGGCTTGTGACCCGGCTCC 485

Query 481 GTAGGCCGGCCGGCGCTGGCAAGTAACTT 520
Sbjct 486 GTAGGCCGGCCGGCGCTGGCAAGTAACTT 525

aurantifolia Swingle) produciendo la aflatoxina B(1) (Bamba y Sumball, 2005; Huang *et al.*, 1997). La aflatoxina B(1) presenta efectos tóxicos inmediatos, inmunosupresores, mutagénicos, carcinogénicos y teratogénicos, constituyendo un riesgo para la salud humana (Chao-Zong *et al.*, 2004). Algunas cepas de esta especie producen ácido ciclopiazónico (Bamba y Sumball, 2005), el cual es el causante de degeneración y necrosis del hígado. Este hongo contamina diversos cultivos (maíz, cacahuate, algodón, nueces, etc.), pastas, harinas, salvados, germinados, frutos secos, entre otros. El aire es su principal fuente de dispersión pero sus conidios pueden ser transportados en el cuerpo de los insectos y depositados sobre la superficie de los frutos (Mazzani *et al.*, 2004), por lo que su control mediante un manejo agronómico adecuado a nivel de precosecha, puede reducir la contaminación de los frutos (Abarca *et al.*, 2000).

Finalmente, *Fusarium oxysporum* es un hongo que aunque ataca fundamentalmente las raíces y sistema vascular de la plantas, ocasionalmente se asocia con la pudrición de frutos debido a una alta actividad de endopoligalacturonasa (Di Pietro y Roncero, 1998), y ha sido reportado como el agente causal de pudrición del pedúnculo (Eng: Stem End Rot) y pudrición interna (Eng: Internal Core Rot) en naranja Valencia, asociado con *Alternaria citri* probablemente porque el fungicida utilizado (tiabendazol) para controlar a este último, no es efectivo contra el género *Fusarium* (Schiffmann-Nadel *et al.*, 1987). No obstante, es conveniente reconocer que algunas cepas de *F. oxysporum* no poseen acción patogénica (Namiki *et al.*, 2001) por lo que la patogenicidad específica del aislamiento obtenido en este estudio requiere de una caracterización detallada.

CONCLUSIONES

Este es el primer reporte de hongos aislados de naranja cultivada en Baja California Sur. Las variedades de naranja (*Citrus sinensis* L. Osbeck) ‘Valencia Temprana’, ‘Valencia Tardía’ y ‘Washington Navel’ cultivadas en 3 huertas de Comondú, BCS, indicaron la presencia de *Aspergillus flavus*, *Fusarium oxysporum*, *Penicillium digitatum*, *Penicillium italicum* y *Penicillium variabile* como patógenos potenciales en poscosecha. Se observaron diferencias entre los sitios de colecta y las variedades de fruto respecto al tipo de microorganismo presente, lo que sugiere que el manejo agronómico en los sitios de muestreo puede determinar la naturaleza de la microflora presente en los frutos. Estos resultados llevan a la necesidad de introducir diferentes alternativas de tratamiento para la desinfección y protección de los frutos en cada huerta.

AGRADECIMIENTOS

Se agradece a la Fundación PRODUCE-Baja California Sur y al Fondo SAGARPA-CONACYT 003-C01-8, 2002-C01-0798 y al proyecto SIP-IPN 20060913, el apoyo financiero para la realización de este trabajo. A la Ing. Ma. Guadalupe López Aburto y el M. en C. Rogelio Ramírez, por su asistencia técnica.

BIBLIOGRAFÍA

- Abarca, M. L.; Bragulat, M. R.; Castellá, G.; Accensi, F.; Cabañas, F.J. 2000. Hongos productores de micotoxinas emergentes. *Revista Iberoamericana de Micología* **17**, 63-68.
- Altieri, G.; Renzo, G. C.; Lanza, G. 2005. Imazalil on-line control in post-harvest treatments of citrus fruit. *Acta Horticulturae* **682**, 1773-1780.
- Amiri, A.; Bompeix, G. 2005. Diversity and population dynamics of *Penicillium* spp. on apples in pre- and postharvest environments: Consequences for decay development. *Plant Pathology* **54**, 74-81.
- Bamba, R.; Sumball, G. 2005. Co-occurrence of aflatoxin B(1) and cyclopiazonic acid in sour lime (*Citrus aurantifolia* Swingle) during post-harvest pathogenesis by *Aspergillus flavus*. *Mycopathologia* **159**, 407-411.
- Barnett, H. L.; Hunter, B. B. 1998. Illustrated genera of imperfect fungi. The American Phytopathological Society. St. Paul, Minnesota. USA. 218 p.
- Benbow, J. M.; Sugar D. 1999. Fruit surface colonization and biological control of postharvest diseases of pear by preharvest yeast applications. *Plant Disease* **83**, 839-844.
- Benyahia, H.; Jrifí, A.; Smaili, C.; Afellah, M.; Lamsetef, Y.; Timmer, L.W. 2003. First report of *Colletotrichum gloeosporioides* causing wither tip on twigs and tear stain on fruit of citrus in Morocco. *Plant Pathology* **52**, 798.
- Capdeville, G.; Wilson, C. W.; Beer, S. Y.; Aist, J.R. 2002. Alternative disease control agents induce resistance to blue mold in harvested red delicious apple fruit. *Phytopathology* **92**, 900-908.
- Carrillo, L. 2003. Los hongos de los alimentos y forrajes. Universidad Nacional de Salta. Salta, Argentina. 128 p.
- Castoria, R.; Caputo, L.; Curtis, F.; Cicco, V. 2003. Resistance to oxidative stress of postharvest biocontrol yeasts: a possible new mechanism of action. *Phytopathology* **93**, 564-572.
- Chao-Zong, L.; Guey-Yuh, L.; Gwo-Fang, Y. 2004. Comparison of *Aspergillus flavus* and *Aspergillus oryzae* by amplified fragment length polymorphism. *Botanical Bulletin of Academia Sinica* **45**, 61-68.

- Dennis, C. 1983. Postharvest pathology of fruits and vegetables. Academic Press, London. UK. 264 p.
- Di Pietro, A.; Roncero, M. I. 1998. Cloning, expresión, and role in pathogenicity of *pg1* encoding the major extracellular endopolygacturonase of the vascular wilt pathogen *Fusarium oxysporum*. *Molecular Plant-Microbe Interactions* **11**, 91-98.
- Droby, S.; Wisniewski, M. E.; Cohen, L.; Weiss, B.; Touitou, D.; Eilam, Y.; Chalutz, E. 1997. Influence of CaCl_2 on *Penicillium digitatum*, grapefruit peel tissue, and biocontrol activity of *Pichia guilliermondii*. *Phytopathology* **87**, 310-315.
- Droby, S.; Vinokur, V.; Weiss, B.; Cohen, L.; Daus, A.; Goldschmidt, E.; Porat, R. 2002. Induction of resistance to *Penicillium digitatum* in grapefruit by the yeast biocontrol agent *Candida oleophila*. *Phytopathology* **92**, 393-399.
- Duggal, A.; Dumas, M.T.; Jeng, R. S.; Hubbes, M. 1997. Ribosomal variation in six species of shape *Fusarium*. *Mycopathologia* **140**, 34-49.
- Fan, Q.; Tian, S.P.; Li, Y.; Xu, Y.; Wang, Y. 2000. Biological control of postharvest brown rot in peach and nectarine fruits by *Bacillus subtilis* (B-912). *Acta Botanica Sinica* **42**, 1137-11473.
- Huang, Z.; White, D. G.; Payne, G. A. 1997. Corn seed proteins inhibitory to *Aspergillus flavus* and aflatoxin biosynthesis. *Phytopathology* **87**, 622-627.
- Ismail, M.; Zhang, J. Z. 2004. Post-harvest citrus diseases and their control. *Outlooks Pest Management* **15**, 29-35.
- Lugauskas, A.; Stakéniené, J. 2002. Toxin producing micromycetes on fruit, berries and vegetables. *Annals of Agricultural and Environmental Medicine* **9**, 183-197.
- Maldonado, M. C.; Santa-Runco, R.; Navarro, A. R. 2005. Isolation, identification and antifungal susceptibility of lemon pathogenic and non-pathogenic fungi. *Revista Iberoamericana de Micología* **22**, 57-59.
- Margosan, D. A.; Smilanick, J.L.; Simmons, G. F.; Henson, D. J. 1997. Combination of hot water and ethanol to control postharvest decay of peaches and nectarines. *Plant Disease* **81**, 1405-1409.
- Mazzani, C.; Luzón, O.; Chavarri, M. 2004. *Aspergillus flavus* asociado a *Epitragus* sp. (Coleoptera: Tenebrionidae) en maíz bajo riego en Turén, estado Portuguesa, Venezuela. *Entomotropica* **19**, 157-159.
- McGuire, R. G. 2000. Population dynamics of postharvest decay antagonists growing epiphytically and within wounds on grapefruit. *Phytopathology* **90**, 1217-1223.
- Namiki, F.; Matsunaga, M.; Okunda, M.; Inoue, I.; Nihi, K.; Fujita, Y.; Tsuge, T. 2001. Mutation of an arginine biosynthesis gene causes reduced pathogenicity in *Fusarium oxysporum* f. sp. *melonis*. *Molecular Plant-Microbe Interactions* **14**, 580-584.
- Nelson, P. E.; Toussoun, T. A.; Marasas, W. F. O. 1983. *Fusarium* species: An Illustrated Manual for Identification. The Pennsylvania State University. University Park, Pennsylvania, USA. 193 p.
- OEPP/EPPO (Organisation Européenne et Méditerranéenne pour la Protection des Plantes/ European and Mediterranean Plant Protection Organization). 2004. Citrus. *Bulletin OEPP/EPPO* **34**, 43-56.
- Orozco-Santos, M. 1991. Control of citrus leaf spot (*Alternaria limicola*) and other diseases of Mexican lemon (*Citrus aurantifolia*) with mancozeb and detergent sprays. *Revista Mexicana de Fitopatología* **9**, 129-133.
- Pavoncello, D.; Lurie, S.; Droby, S.; Porat, R. 2001. A hot water treatment induces resistance to *Penicillium digitatum* and promotes the accumulation of heat shock and pathogenesis-related proteins in grapefruit flavedo. *Physiologia Plantarum* **111**, 17-22.
- Pitt, J. I. 1988. A Laboratory Guide to Common *Penicillium* Species, 2nd ed. CSIRO Division of Food Processing, North Ryde, New South Wales, Australia. 187 p.
- Plaza, P.; Usall, J.; Torres, R.; Lamarca, N.; Vinas, I. 2003. Control of green and blue mold by curing on orange during ambient and cold storage. *Postharvest Biology and Technology* **28**, 195-198.
- Qing, F.; Shiping, T. 2000. Postharvest biological control of *Rhizopus* rot of nectarine fruits by *Pichia membranefaciens*. *Plant Disease* **84**, 1212-1216.
- Raeder, U.; Broda, P. 1985. Rapid preparation of DNA from filamentous fungi. *Letters Applied Microbiology* **1**, 17-20.
- Romero, C. S. 1988. Hongos Fitopatógenos. Universidad Autónoma Chapingo. Chapingo, Estado de México, México. 347 p.
- Sanderson, P. G.; Spotts, R. A. 1995. Postharvest decay of winter pear and apple fruit caused by species of *Penicillium*. *Phytopathology* **85**, 103-110.
- Seifert K. A.; Samson, R. A.; deWaard, R. A.; Houbraken, J.; Lévesque, C. A.; Moncalvo, J.M.; Louis-Seize, G.; Hebert, P. D. N. 2007. Prospects for fungus identification using CO1 DNA barcodes, with *Penicillium* as a test case. *Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America* **104**, 3901-3906.
- Schiffmann-Nadel, M.; Chalutz, E.; Waks, J.; Lomaniec, E.; Yofee, A.Z. 1987. Increase of *Fusarium* rot in stored citrus fruit. *Journal of Phytopathology* **120**, 154-157.
- Skouboe, P.; Frisvad, J.C.; Taylor, J. W.; Lauritsen, D.; Boysen, M.; Rossen, L. 1999. Phylogenetic analysis of nucleotide sequences from the ITS region of

- terverticillate *Penicillium* species. *Mycological Research* **103**, 873-881.
- Smilanick, J.; Sorenson, D.; Mansour, M.; Aieyabei, J.; Plaza, P. 2003. Impact of a brief post-harvest hot water drench treatment on decay, fruit appearance, and microbial populations of California lemons and oranges. *HortTechnology* **13**, 333-338.
- Snowdon, A. L. 1990. Color Atlas of Post-Harvest Diseases and Disorders of Fruits and Vegetables, Vol. 1, General Introduction and Fruits. CRC Press, Boca Raton FL. 718 p.
- Spotts, R.; Sanderson, P.G.; Lennox, C. L.; Sugar, D.; Cervantes, L.A. 1998. Wounding, wound healing, and staining of mature pear fruit. *Postharvest Biology and Technology* **13**, 27-36.
- Tavares-Ramos, B.; Brasileiro, V.; Moura, M. R. C.; Morais, M.A.; de Oliveira, N.T. 2004. Genetic variability within *Fusarium solani* specie as revealed by PCR-fingerprinting based on PCR markers. *Brazilian Journal of Microbiology* **35**, 205-202.
- Varma, S. K.; Verma, R. A. 1987. Aflatoxin B1 production in orange (*Citrus reticulate*) juice by isolates of *Aspergillus flavus* Link. *Mycopathologia* **97**, 101-104.
- White, T. J.; Bruns, T.; Lee, S.; Taylor, J. 1990. Amplification and direct sequencing of fungal ribosomal RNA genes for phylogenetics. En: PCR Protocols: A Guide to Methods and Applications. Innis, M.A.; Gelfand, D.H.; Sninsky, J.J.; White, T.J. (eds). Academic Press, San Diego, CA. pp. 315-322.
- Wild, B. L. 1994. Differential sensitivity of citrus green mould isolates (*Penicillium digitatum* Sacc.) to the fungicide imazalil. *New Zealand Journal of Crop and Horticultural Science* **22**: 167-171.
- Wuryatmo, E.; Klieber, A.; Scott, E.S. 2003. Inhibition of citrus postharvest pathogens by vapor of citral and related compounds in culture. *Journal of Agricultural and Food Chemistry* **51**, 2637-2640.
- Yildiz, F.; Kinay, P.; Yildiz, M.; Sen, F.; Karacali, L. 2005. Effects of preharvest applications of CaCl_2 , 2,4-D and benomyl and postharvest hot water, yeast and fungicide treatments on development of decay on satsuma mandarins. *Journal of Phytopathology* **153**, 94-98.
- Zheng, X.; Zhang, H.; Xi, Y. 2004. Effects of *Cryptococcus laurentii* (Kufferath) Skinner on biocontrol of postharvest decay of arbutus berries. *Botanical Bulletin of Academia Sinica* **45**, 55-60.